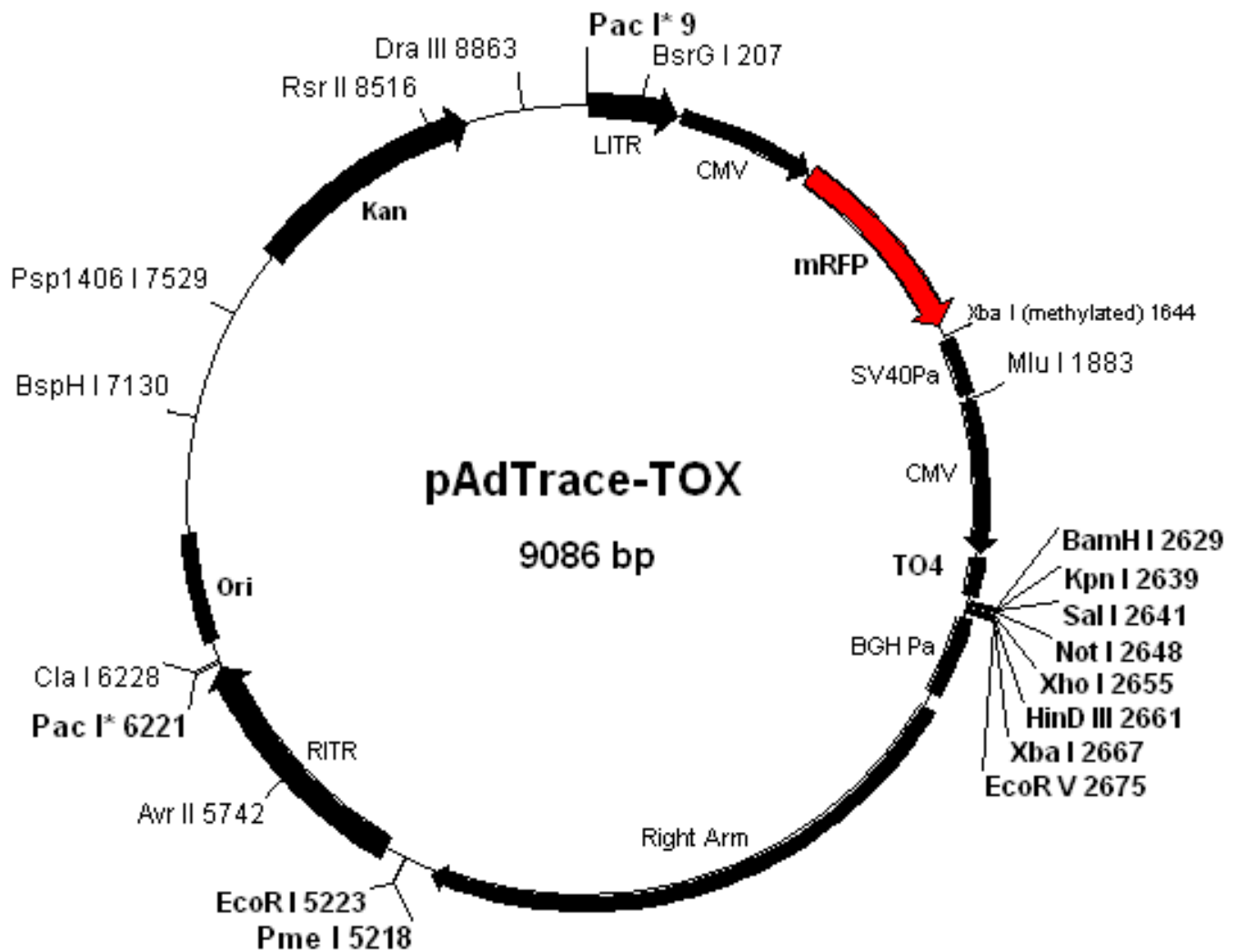


Vector: pAdTrace-TOX (adenoviral shuttle vector w/ one EcoRI for possible linearization)

Antibiotic Selection: Kan

Creator(s): Qing Luo, Molecular Oncology Lab of The University of Chicago

Date of Construction: September 11, 2009



		3139	3295	4060	4366	Bsp120 I	(2)	4056	4362			
		5085	8365	8938		Bsp1286 I	(2)	3052	8303			
Bbe I	(6)	1424	1532	1631	4959	BspH I	(1)	7130				
		7755	8003			BspM I	(8)	3414	4276	4316	4636	
Bbs I	(4)	1378	2614	2896	4849			5310	7658	7887	8268	
Bbv I	(19)	1530	1785	3040	3043	BspM II	(2)	5329	5556			
		3235	3262	3322	3414	Bsr I	(20)	655	1153	2187	3718	
		4349	4365	4425	4948			4398	5513	5818	6817	
		5808	6829	6832	7038			6830	6944	7350	7468	
		8073	8115	8636				7511	7583	7628	7709	
Bbv II	(4)	1377	2613	2895	4850			7793	7943	8144	8777	
Bcl I	(3)	1654	2694	7841		BsrB I	(5)	1401	5765	6343	8613	
Bcn I	(18)	1527	3115	3379	3380			9007				
		3559	3560	3905	4297	BsrD I	(3)	4058	7364	8233		
		4387	4796	5022	5634	BsrG I	(1)	207				
		5635	6791	7487	7608	BssH II	(6)	1602	3543	3545	4801	
		8005	8165					4932	9064			
Bfa I	(14)	951	1645	1846	1891	BssS I	(5)	1030	4962	5069	6583	
		2668	2716	2960	5743			8592				
		6905	7158	7493	7559	Bst1107 I	(1)	5203				
		7701	9014			BstE II	(4)	1098	1269	4623	5512	
Bgl I	(10)	449	571	642	1981	BstN I	(24)	449	642	1128	1282	
		2103	2174	3439	5490			1981	2174	2572	2766	
		7423	9083					2951	3603	3780	4074	
Bgl II	(3)	2477	2498	2519				4119	4199	4605	4724	
Bpm I	(4)	2593	3123	5751	7373			4811	4877	5076	5108	
Bsa I	(5)	3187	3575	4551	5063			6438	6559	6572	8387	
		7364				BstU I	(38)	88	231	233	294	
BsaA I	(8)	699	1173	2231	3838			350	419	1241	1331	
		6049	7573	8304	8863			1604	1885	1951	2647	
BsaB I	(7)	1659	2476	2497	2518			3096	3263	3332	3545	
		2539	3502	7859				3547	3549	4154	4669	
BsaH I	(18)	481	534	617	803			4803	4869	4917	4934	
		974	1421	1478	1529			5004	5037	5274	5974	
		1628	2013	2066	2149			6141	6457	7038	7368	
		2335	2578	4003	4956			8066	8367	8755	9047	
		7752	8000					9064	9066			
BsaJ I	(44)	719	956	968	1103	BstX I	(2)	1500	4047			
		1127	1163	1220	1280	BstY I	(18)	944	1641	2477	2498	
		1376	1412	1481	1607			2519	2629	2953	2963	
		2251	2764	3106	3113			3411	7051	7062	7148	
		3261	3377	3557	3779			7160	7549	7561	7813	
		3791	3903	4060	4073			8171	8417			
		4197	4198	4295	4723	Cac8 I	(54)	445	638	1604	1977	
		4739	4810	4891	4915			2170	2724	2901	2905	
		4927	4945	5020	5545			3100	3167	3261	3295	
		5632	5633	5742	6570			3299	3303	3330	3421	
BsaW I	(9)	7605	7809	8163	8432			3545	3547	3769	3787	
		1638	2632	3942	5329			4156	4504	4576	4803	
		5556	6616	6763	7733			4807	4934	4941	5044	
		8031						5491	5653	5972	6341	
BseR I	(5)	954	1278	4649	4965			6427	6464	7024	7415	
		5534						7652	7676	7727	7744	
Bsg I	(5)	1537	3329	3939	4994			7894	8080	8299	8365	
		5919						8371	8399	8403	8444	
BsiE I	(8)	2651	2681	3577	5623			8448	8502	8966	9009	
		6326	6750	7909	8896			9023	9066			
BsiHKA I	(9)	2459	3052	3082	3950	Cfr10 I	(10)	202	1624	4356	4852	
		4710	5085	6728	8113			5158	5489	7383	8319	
		8303						8500	8964			
Bsm I	(4)	1748	1841	4032	5063	Cla I	(1)	6228				
BsmA I	(14)	792	1891	2324	2570	Csp6 I	(19)	208	577	602	657	
		3188	3212	3574	3658			690	741	898	1155	
		3995	4552	5062	5655			1407	1596	2109	2134	
		7365	7843					2189	2222	2273	2430	
BsmB I	(4)	1892	2569	3659	3994			2636	4691	8305		
BsmF I	(13)	534	685	853	1125	Dde I	(11)	1145	2826	2935	3289	
		1144	2066	2217	2385			3398	3972	4333	4429	
		3574	4443	4596	5180			6685	7094	7260		
		8151				Dpn I	(42)	946	1042	1438	1643	
BsoF I	(72)	1062	1110	1263	1327			1656	2479	2500	2521	
		1332	1467	1519	1522			2542	2567	2631	2696	
		1614	1774	2648	2651			2955	2965	3413	3505	
		2681	3029	3032	3035			3715	4095	4128	4258	
		3038	3041	3224	3233			4309	4647	6227	6231	
		3236	3245	3248	3251			6978	7053	7064	7072	
		3311	3403	3693	4067			7150	7162	7267	7551	
		4070	4338	4341	4354			7563	7815	7832	7843	
		4411	4414	4417	4507			7862	8173	8251	8332	
		4680	4799	4850	4918			8341	8419			
		4937	4959	5040	5248	DpnII	(42)	944	1040	1436	1641	
		5794	5797	6316	6334			1654	2477	2498	2519	
		6337	6455	6610	6753			2540	2565	2629	2694	
		6818	6821	7027	7355			2953	2963	3411	3503	
		7806	7909	7961	7972			3713	4093	4126	4256	
		8062	8067	8104	8145			4307	4645	6225	6229	
		8232	8235	8238	8474			6976	7051	7062	7070	
		8570	8611	8625	9043			7148	7160	7265	7549	

		7561	7813	7830	7841	Hha I	(60)	88	202	233	350
		7860	8171	8249	8330			995	1007	1241	1331
		8339	8417					1423	1531	1604	1606
Dra I	(6)	1699	3466	5218	5421			1630	3098	3419	3545
		7169	7188					3547	3549	3734	4154
Dra III	(2)	2617	8863					4502	4747	4791	4803
Drd I	(5)	1483	4895	6518	8027			4805	4819	4849	4869
		8818						4934	4936	4958	5004
Dsa I	(11)	719	956	1376	2251			5039	5276	5785	6143
		3106	3261	4060	4739			6287	6320	6590	6657
		4891	4915	8432				6757	6931	7040	7433
Eae I	(14)	283	1026	1467	1502			7526	7656	7754	7825
		2648	2678	4807	4873			7994	8002	8066	8103
		5087	5482	7906	8080			8369	8629	9013	9021
		8471	8498					9047	9066	9068	9077
Eag I	(3)	2648	2678	7906		HinC II	(3)	1760	2643	3344	
Ear I	(3)	6294	8344	8554		Hind II	(3)	1760	2643	3344	
Eco47 III	(3)	3733	4848	5784		HinD III	(1)	2661			
Eco57 I	(10)	1113	1446	1470	1476	Hinf I	(20)	769	1285	2301	3367
		3225	3456	4862	6957			3487	3620	3908	4464
		8145	8577					5016	5560	5574	5596
EcoO109 I	(4)	3585	3788	4751	5045			6310	6385	6781	7298
EcoR I	(1)	5223						8485	8619	8790	8812
EcoR II	(24)	447	640	1126	1280	HinI I	(18)	481	534	617	803
		1979	2172	2570	2764			974	1421	1478	1529
		2949	3601	3778	4072			1628	2013	2066	2149
		4117	4197	4603	4722			2335	2578	4003	4956
		4809	4875	5074	5106			7752	8000		
		6436	6557	6570	8385	HinP I	(60)	86	200	231	348
EcoR V	(1)	2675						993	1005	1239	1329
Ehe I	(6)	1422	1530	1629	4957			1421	1529	1602	1604
		7753	8001					1628	3096	3417	3543
Fnu4H I	(72)	1062	1110	1263	1327			3545	3547	3732	4152
		1332	1467	1519	1522			4500	4745	4789	4801
		1614	1774	2648	2651			4803	4817	4847	4867
		2681	3029	3032	3035			4932	4934	4956	5002
		3038	3041	3224	3233			5037	5274	5783	6141
		3236	3245	3248	3251			6285	6318	6588	6655
		3311	3403	3693	4067			6755	6929	7038	7431
		4070	4338	4341	4354			7524	7654	7752	7823
		4411	4414	4417	4507			7992	8000	8064	8101
		4680	4799	4850	4918			8367	8627	9011	9019
		4937	4959	5040	5248			9045	9064	9066	9075
		5794	5797	6316	6334	Hpa I	(1)	1760			
		6337	6455	6610	6753	Hpa II	(40)	203	1526	1625	1639
		6818	6821	7027	7355			2633	3113	3378	3558
		7806	7909	7961	7972			3903	3943	4193	4295
		8062	8067	8104	8145			4357	4385	4794	4853
		8232	8235	8238	8474			5020	5159	5330	5490
		8570	8611	8625	9043			5557	5633	6617	6764
Fok I	(22)	184	258	1120	1177			6790	6980	7384	7418
		1416	2568	2925	3309			7485	7607	7734	7905
		3639	3838	4134	4176			7982	8004	8032	8163
		4410	5018	7269	7450			8253	8320	8501	8965
		7622	7805	7867	8324	Hph I	(19)	120	734	1109	1280
		8349	8713					1331	1552	2266	3628
Fsp I	(3)	1006	7525	8102				4618	4789	5089	5185
Gdi II	(13)	1027	1468	2647	2649			5507	6110	7147	7374
		2677	2679	4874	5086			7548	8179	8865	
		5483	7905	7907	8470	Kas I	(6)	1420	1528	1627	4955
		8497						7751	7999		
Gsu I	(4)	2592	3124	5752	7374	Kpn I	(1)	2639			
Hae I	(11)	285	961	1168	1390	Mae I	(14)	951	1645	1846	1891
		1504	4138	4809	6425			2668	2716	2960	5743
		6436	6888	8082				6905	7158	7493	7559
Hae II	(14)	1424	1532	1631	3735			7701	9014		
		4503	4850	4959	5786	Mae II	(34)	81	113	187	481
		6288	6658	7755	8003			493	534	617	698
		9014	9022					803	974	1172	2013
Hae III	(46)	285	443	636	961			2025	2066	2149	2230
		1028	1061	1112	1168			2335	3607	3837	4102
		1355	1390	1469	1504			5931	6043	6048	6114
		1613	1975	2168	2650			6146	7113	7529	7572
		2680	3112	3556	3789			8116	8303	8807	8819
		4058	4072	4138	4196			8862	8972		
		4364	4441	4722	4809	Mae III	(41)	77	109	183	218
		4875	4925	5046	5089			266	337	420	507
		5484	5893	6425	6436			856	1098	1269	1275
		6454	6888	7346	7426			1785	1952	2039	2388
		7908	8082	8473	8500			3270	3617	4010	4208
		8713	8855					4623	4772	5174	5494
Hga I	(11)	884	1485	1875	2416			5512	5874	5932	6025
		2585	2652	3110	4010			6044	6049	6093	6115
		4859	6520	7098				6147	6766	6829	6945
HgiA I	(9)	2459	3052	3082	3950			7228	8120	8426	9036
		4710	5085	6728	8113			9048			
		8303				Mbo I	(42)	944	1040	1436	1641
HgiE II	(3)	2761	4348	6989				1654	2477	2498	2519

		2540	2565	2629	2694		2637	2774	3138	3562	
		2953	2963	3411	3503		3586	3745	4058	4166	
		3713	4093	4126	4256		4187	4330	4364	4440	
		4307	4645	6225	6229		4612	4752	4957	5047	
		6976	7051	7062	7070		5334	5861	6442	6481	
		7148	7160	7265	7549		7253	7347	7388	7753	
		7561	7813	7830	7841		8001	8036	8902	8923	
		7860	8171	8249	8330		8935				
		8339	8417			Not I	(1)	2648			
Mbo II	(17)	1379	1382	2618	2900	Nsi I	(2)	3856	4034		
		4001	4091	4292	4329	Nsp7524 I	(9)	158	2903	3098	4454
		4850	6282	7071	7144			4469	4574	5369	6410
		7545	8360	8570	8652			8401			
		9002				NspB II	(15)	1521	2692	3247	3263
Mlu I	(1)	1883						3405	3567	4313	4340
Mme I	(6)	1372	3195	3390	6624			4416	4917	5793	6752
		6808	8839					6997	7746	8106	
Mnl I	(74)	56	304	900	963	NspH I	(9)	162	2907	3102	4458
		971	974	1005	1038			4473	4578	5373	6414
		1044	1050	1065	1153			8405			
		1215	1248	1298	1355	Pac I	(2)	9	6221		
		1380	1400	1407	1439	PaeR7 I	(1)	2655			
		1476	1566	1571	1602	Pal I	(46)	285	443	636	961
		1676	1715	1724	2432			1028	1061	1112	1168
		2608	2663	2710	2752			1355	1390	1469	1504
		2798	2873	2930	3236			1613	1975	2168	2650
		3455	3460	3575	3659			2680	3112	3556	3789
		3909	4024	4154	4223			4058	4072	4138	4196
		4669	4763	4816	4921			4364	4441	4722	4809
		4943	4946	4958	4978			4875	4925	5046	5089
		5151	5279	5554	5677			5484	5893	6425	6436
		5744	5768	6026	6173			6454	6888	7346	7426
		6308	6518	6591	6842			7908	8082	8473	8500
		7242	7323	7469	7765			8713	8855		
		7851	7915	8051	8408	PfLM I	(2)	1382	3608		
		8600	8891			Ple I	(3)	5568	6789	8798	
Msc I	(4)	285	1504	4809	8082	Pme I	(1)	5218			
Mse I	(33)	5	9	366	1698	PpuM I	(2)	3585	4751		
		1759	1880	1898	3386	Psp1406 I	(1)	7529			
		3465	3817	4402	4450	PspA I	(3)	3377	3557	5632	
		5217	5420	5523	5698	Pst I	(5)	1298	3225	3252	3682
		5837	5940	6063	6217			4415			
		6221	7116	7168	7173	Pvu II	(7)	1521	3405	4313	4340
		7187	7240	7475	7514			4416	7746	8106	
		8673	8685	8702	8800	Rsa I	(19)	209	578	603	658
		9070						691	742	899	1156
Msl I	(6)	724	2256	4045	4110			1408	1597	2110	2135
		5304	8437					2190	2223	2274	2431
Msp I	(40)	203	1526	1625	1639			2637	4692	8306	
		2633	3113	3378	3558	Rsr II	(1)	8516			
		3903	3943	4193	4295	Sac I	(3)	2459	3082	5085	
		4357	4385	4794	4853	Sac II	(2)	3264	4918		
		5020	5159	5330	5490	Sal I	(1)	2641			
		5557	5633	6617	6764	Sap I	(3)	6294	8344	8554	
		6790	6980	7384	7418	Sau3A I	(42)	944	1040	1436	1641
		7485	7607	7734	7905			1654	2477	2498	2519
		7982	8004	8032	8163			2540	2565	2629	2694
		8253	8320	8501	8965			2953	2963	3411	3503
MspAl I	(15)	1521	2692	3247	3263			3713	4093	4126	4256
		3405	3567	4313	4340			4307	4645	6225	6229
		4416	4917	5793	6752			6976	7051	7062	7070
		6997	7746	8106				7148	7160	7265	7549
Mun I	(2)	1747	3361					7561	7813	7830	7841
Nae I	(3)	5491	8502	8966				7860	8171	8249	8330
Nar I	(6)	1421	1529	1628	4956			8339	8417		
		7752	8000			Sau96 I	(31)	442	635	1059	1111
Nci I	(18)	1526	3114	3378	3379			1354	1611	1974	2167
		3558	3559	3904	4296			3110	3555	3561	3585
		4386	4795	5021	5633			3788	4056	4057	4195
		5634	6790	7486	7607			4362	4363	4439	4610
		8004	8164					4720	4751	4829	4924
Nco I	(7)	719	956	1376	2251			5045	5891	7345	7424
		3106	4891	8432				7441	8516	8854	
Nde I	(2)	593	2125					449	642	1128	1282
NgoM I	(3)	5489	8500	8964		ScrF I	(42)	1526	1981	2174	2572
Nla III	(40)	162	663	723	960			2766	2951	3114	3378
		993	1011	1380	1503			3379	3558	3559	3603
		2195	2255	2907	3048			3780	3904	4074	4119
		3102	3110	3642	3692			4199	4296	4386	4605
		3915	3968	4032	4263			4724	4795	4811	4877
		4458	4473	4578	4733			5021	5076	5108	5633
		4895	5122	5156	5303			5634	6438	6559	6572
		5309	5373	5489	5555			6790	7486	7607	8004
		6414	7134	7693	7874			8164	8387		
		8219	8405	8436	8462	Sec I	(44)	719	956	968	1103
Nla IV	(41)	826	1017	1077	1113			1127	1163	1220	1280
		1161	1335	1356	1422			1376	1412	1481	1607
		1530	1629	2358	2631			2251	2764	3106	3113

		3261	3377	3557	3779	Bpm I	CTGGAG 22/20	4	Bsa I	GGTCTC 7/11	5
		3791	3903	4060	4073	BsaA I	YAC GTR	8	BsaB I	GATNN NNATC	7
		4197	4198	4295	4723	BsaH I	GR`CG,YC	18	BsaJ I	C`CNNG,G	44
		4739	4810	4891	4915	BsaW I	W`CCGG,W	9	BseR I	GAGGAG 16/14	5
		4927	4945	5020	5545	Bsg I	GTGCAG 22/20	5	BsiC I	TT`CG,AA	-
		5632	5633	5742	6570	BsiE I	CG,RY`CG	8	BsiHKA I	G,WGCW`C	9
		7605	7809	8163	8432	BsiW I	C`GTAC,G	-	Bsm I	GAATG,C 7	4
SfaN I	(19)	717	1812	2249	2822	BsmA I	GTCTC`/9	14	BsmB I	CGTCTC 7/11	4
		2904	3842	3862	4647	BsmF I	GGGAC 15/19	13	BsoF I	GC`N,GC	72
		5039	5120	6248	6286	Bsp120 I	G`GGCC,C	2	Bsp1286 I	G,DGCH`C	2
		6506	7959	8214	8298	BspH I	T`CATG,A	1	BspM I	ACCTGC 10/14	8
		8362	8430	8637		BspM II	T`CCGG,A	2	Bsr I	ACT,GG`	20
Sfc I	(7)	1294	3221	3248	3678	BsrB I	GAG CGG	5	BsrD I	GCAATG, 8	3
		4411	6675	6866		BsrG I	T`GTAC,A	1	Bssh II	G`CGCG,C	6
Sma I	(3)	3379	3559	5634		Bsss I	C`TCGT,G	5	Bst1107 I	GTA TAC	1
SnaB I	(3)	699	2231	6049		BstB I	TT`CG,AA	-	BstE II	G`GTNAC,C	4
Sph I	(4)	2907	3102	4578	8405	BstN I	CC`W,GG	24	BstU I	CG CG	38
Stu I	(2)	1168	1390			BstX I	CCAN,NNNN`NTGG	2	BstY I	R`GATC,Y	18
Sty I	(14)	719	956	1103	1163	Bsu36 I	CC`TNA,GG	-	Cac8 I	GCN NGC	54
		1376	2251	3106	3791	Cfr10 I	R`CCGG,Y	10	Cla I	AT`CG,AT	1
		4891	4927	4945	5742	Csp6 I	G`TA,C	19	Dde I	C`TNA,G	11
		7809	8432			Dpn I	GA TC	42	DpnII	`GATC	42
Taq I	(17)	1037	1043	1253	2543	Dra I	TTT AAA	6	Dra III	CAC,NNN`GTG	2
		2642	2656	2703	4644	Drd I	GACNN,NN`NNGTC	5	Dsa I	C`CRYG,G	11
		5852	6228	6510	8113	Eae I	Y`GGCC,R	14	Eag I	C`GGCC,G	3
		8269	8293	8329	8491	Ear I	CTCTTC 7/10	3	Eco47 III	AGC GCT	3
		8896				Eco57 I	CTGAAG 21/19	10	Eco72 I	CAC GTG	-
Tfi I	(7)	3367	3908	5016	5596	EcoN I	CCTNN`N,NNAGG	-	EcoO109 I	RG`GNC,CY	4
		6385	8485	8619		EcoR I	G`AATT,C	1	EcoR II	`CCWGG,	24
Tsp45 I	(22)	77	109	183	218	EcoR V	GAT ATC	1	Ehe I	GGC GCC	6
		1098	1269	1275	3270	Esp I	GC`TNA,GC	-	Fnu4H I	GC`N,GC	72
		3617	4010	4623	4772	Fok I	GGATG 14/18	22	Fse I	GG,CCGG`CC	-
		5174	5494	5512	5874	Fsp I	TGC GCA	3	Gdi II	`YGGC,CG	13
		6025	6115	6147	8120	Gau I	CTGGAG 21/19	4	Hae I	WGG CCW	11
		8426	9036			Hae II	R,GC`G`Y	14	Hae III	GG CC	46
Tth111 I	(3)	2613	3198	8118		Hga I	GACGC 9/14	11	Hgia I	G,WGCW`C	9
Tth111 II	(10)	2726	3317	3483	3522	HgiE II	ACCNNNNNNGGT -1/133	-	Hha I	G,CG`C	60
		4610	5381	6999	7008	Hinc II	GTY RAC	3	Hind II	GTY RAC	3
		7038	8436			Hind III	A`AGCT,T	1	Hinf I	G`ANT,C	20
Vsp I	(6)	5	366	1898	5698	HinI I	GR`CG,YC	18	HinP I	G`CG,C	60
		6217	7475			Hpa I	GTT AAC	1	Hpa II	C`CG,G	40
Xba I	(2)	1644	2667			Hph I	GGTGA 12/11	19	Kas I	G`GGCC,C	6
Xca I	(1)	5203				Kpn I	G,GTAC`C	1	Mae I	C`TA,G	14
Xcm I	(3)	3491	5082	7816		Mae II	A`CG,T	34	Mae III	`GTNAC,	41
Xho I	(1)	2655				Mbo I	`GATC,	42	Mbo II	GAAGA 12/11	17
Xho II	(18)	944	1641	2477	2498	Mlu I	A`CGCG,T	1	Mme I	TCCRAC 25/23	6
		2519	2629	2953	2963	Mnl I	CCTC 10/10	74	Msc I	TGG CA	74
		3411	7051	7062	7148	Mse I	T`TA,A	33	Msl I	CAYNN NNRTG	6
		7160	7549	7561	7813	Msp I	C`CG,G	40	MspAl I	CMG CKG	15
Xma I	(3)	3377	3557	5632		Mun I	C`AATT,G	2	Nae I	GCC GGC	3
Xma III	(3)	2648	2678	7906		Nar I	GG`CG,CC	6	Nci I	CC`S,GG	18
Xmn I	(2)	2620	9084			Nco I	C`CATG,G	7	Nde I	CA`TA,TG	2
						NgoM I	G`CCGG,C	3	Nhe I	G`CTAG,C	-
						Nla III	,CATG`	40	Nla IV	GGN NCC	41
						Not I	GC`GGCC,GC	1	Nru I	TCG CGA	-
						Nsi I	A,TGCA`T	2	Nsp7524 I	R`CATG,Y	9
						NspB II	CMG CKG	15	NspH I	R,CATG`Y	9
						Pac I	TTA,AT`TAA	2	PaeR7 I	C`TCGA,G	1
						Pal I	GG CC	46	Pflm I	CCAN,NNN`NTGG	2
						Ple I	GAGTC 9/10	3	Pme I	CTTT AAAC	1
						Pml I	CAC GTG	-	PpuM I	RG`GWC,CY	2
						Psp1406 I	AA`CG,TT	1	PspA I	C`CCGG,G	3
						Pst I	C,TGCA`G	5	Pvu I	CG,AT`CG	-
						Pvu II	CAG CTG	7	Rsa I	GT AC	19
						Rsr II	CG`GWC,CG	1	Sac I	G,AGCT`C	3
						Sac II	CC,GC`GG	2	Sal I	G`TCGA,C	1
						Sap I	GCTCTTC 8/11	3	Sau3A I	`GATC,	42
						Sau96 I	G`GNC,C	31	Sca I	AGT ACT	-
						ScrF I	CC`N,GG	42	Sec I	C`CNNG,G	44
						SfaN I	GCATC 9/13	19	Sfc I	C`TRYA,G	7
						Sfi I	GGCCN,NNN`NGGCC	-	Sma I	CCC GGG	3
						SnaB I	TAC GTA	3	Spe I	A`CTAG,T	-
						Sph I	G,CATG`C	4	Spl I	C`GTAC,G	-
						Srf I	GCCC GGCC	-	Ssp I	AAT ATT	-
						Stu I	AGG CCT	2	Sty I	C`CWG,G	14
						Taq I	T`CG,A	17	Tfi I	G`AWT,C	7
						Tsp45 I	`GTSAC,	22	Tth111 I	GACN`N,NGTC	3
						Tth111 II	CAARCA 16/14	10	Vsp I	AT`TA,AT	6
						Xba I	T`CTAG,A	2	Xca I	GTA TAC	1
						Xcm I	CCANNNN,N`NNNNTGG3	2	Xho I	C`TCGA,G	1
						Xho II	R`GATC,Y	18	Xma I	C`CCGG,G	3
						Xma III	C`GGCC,G	3	Xmn I	GAANN NNTTC	2

Site usage in pAdTrace-TOX:

Aat II	G,ACGT`C	9	Acc I	GT`MK,AC	3
Acc65 I	G`GTAC,C	1	Aci I	C`CG,C	123
Afl II	C`TTAA,G	-	Afl III	A`CRYG,T	4
Age I	A`CCGG,T	-	Aha II	GR`CG,YC	18
Ahd I	GACNN,N`NNGTC	4	Alu I	AG CT	46
Alw I	GGATC 8/9	27	AlwN I	CAG,NNN`CTG	7
Apa I	G,GGCC`C	2	ApaL I	G`TGCA,C	2
Apo I	R`AATT,Y	7	Asc I	GG`CGCG,CC	-
Ase I	AT`TA,AT	6	Asp718	G`GTAC,C	1
Ava I	C`YCGR,G	6	Ava II	G`GWC,C	7
Avr II	C`CTAG,G	1	BamH I	G`GATC,C	1
Ban I	G`GYRC,C	17	Ban II	G,RCY`C	11
Bbe I	G,CGC`C	6	Bbs I	GAAGAC 8/12	4
Bbv I	GCAGC 13/17	19	Bbv II	GAAGAC 7/11	4
Bcl I	T`GATC,A	3	Bcn I	CC,S`GG	18
Bfa I	C`TA,G	14	Bgl I	GCCN,NNN`NGGC	10
Bgl II	A`GATC,T	3	Blp I	GC`TNA,GC	-